

Helgenomsekvensering av svenska SARS-CoV-2 orsakar covid-19, del 2

🔊 Lyssna

Slutsatserna från rapport 1 stärks ytterligare. Tre genetiska grupper etablerade sig i Sverige vid utbrottets start, varav främst två fortsätter att spridas. Dessa genetiska grupper har vissa skillnader med de varianter av dem som importerades från Italien och Österrike, vilket stärker hypotesen att ett flertal separata introduktioner skedde in i landet. Slutligen kan man fortsatt se en spridning av främst två av de genetiska grupperna givet resultat från sekvensering av prover från sentinelövervakningen.

Rapporten är ett kunskansunderlag som redovisar



Helgenomsekvensering av svenska SARS-CoV-2 som orsakar covid-19

17 januari 2020

